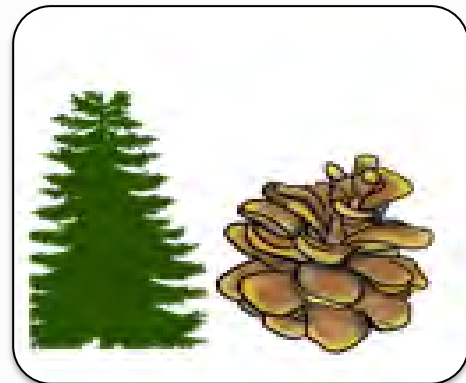
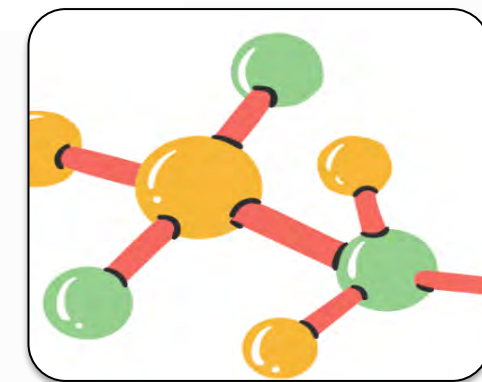


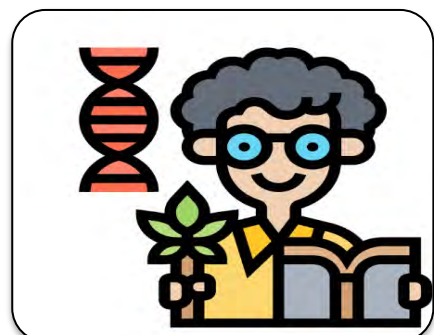
CONTEXTE



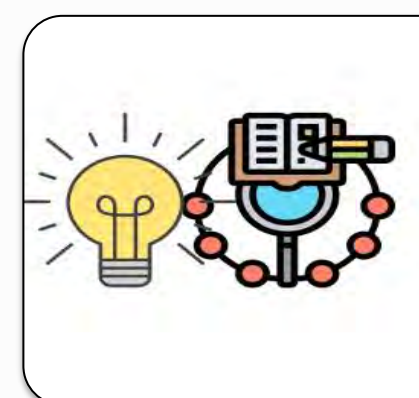
-Six espèces de mélèze qui se ressemblent morphologiquement



-Critères de distinction morphologique limités
-Classifications moléculaires contradictoires selon le type de marqueur génétique utilisé et le génome analysé



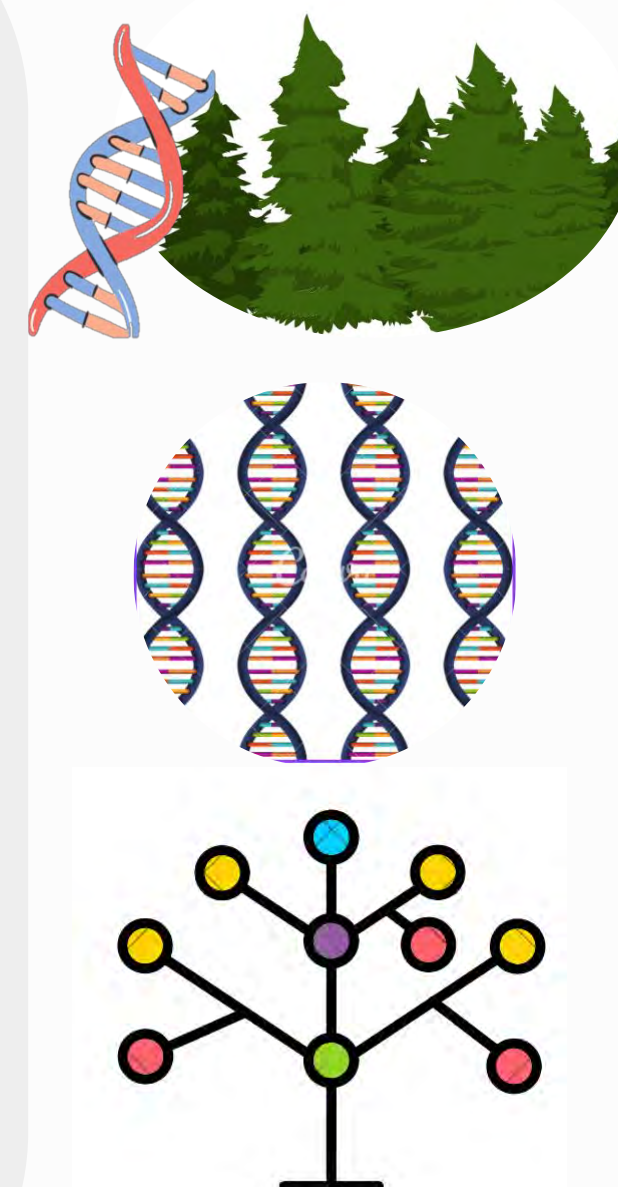
-Le séquençage de nouvelle génération (NGS) a révolutionné les études génétiques



-Apparition des nouvelles méthodes de séquençage plus précises
-Possibilité de séquençage de l'ADN chloroplastique en complet

OBJECTIFS

- Utiliser la variation du génome chloroplastique pour discriminer six espèces de mélèzes
- Réaliser des analyses comparatives statistiques et structurales en comparant le contenu global en gènes et l'organisation des génomes
- Explorer la relation évolutive entre les différents génomes chloroplastiques et développer des marqueurs moléculaires détectés dans ces génomes



HYPOTHÈSES



La comparaison des génomes chloroplastiques élucide l'évolution de cette organelle et son lien avec la spéciation et la dispersion.



Le séquençage du génome chloroplastique permet d'étudier la classification et la phylogénie des six espèces de mélèzes



L'ADN chloroplastique permet de définir la direction du parcours évolutif des génomes chloroplastiques.

MATERIELS ET METHODES

- Pourquoi sommes-nous intéressés par le génome des chloroplastes ?



Petite taille

Structure conservée

Clé pour les études écologiques et évolutives

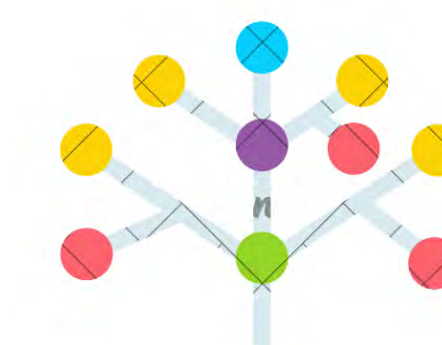
Extraction d'ADN
Chloroplastique(NGS)

Analyse
bio-informatique

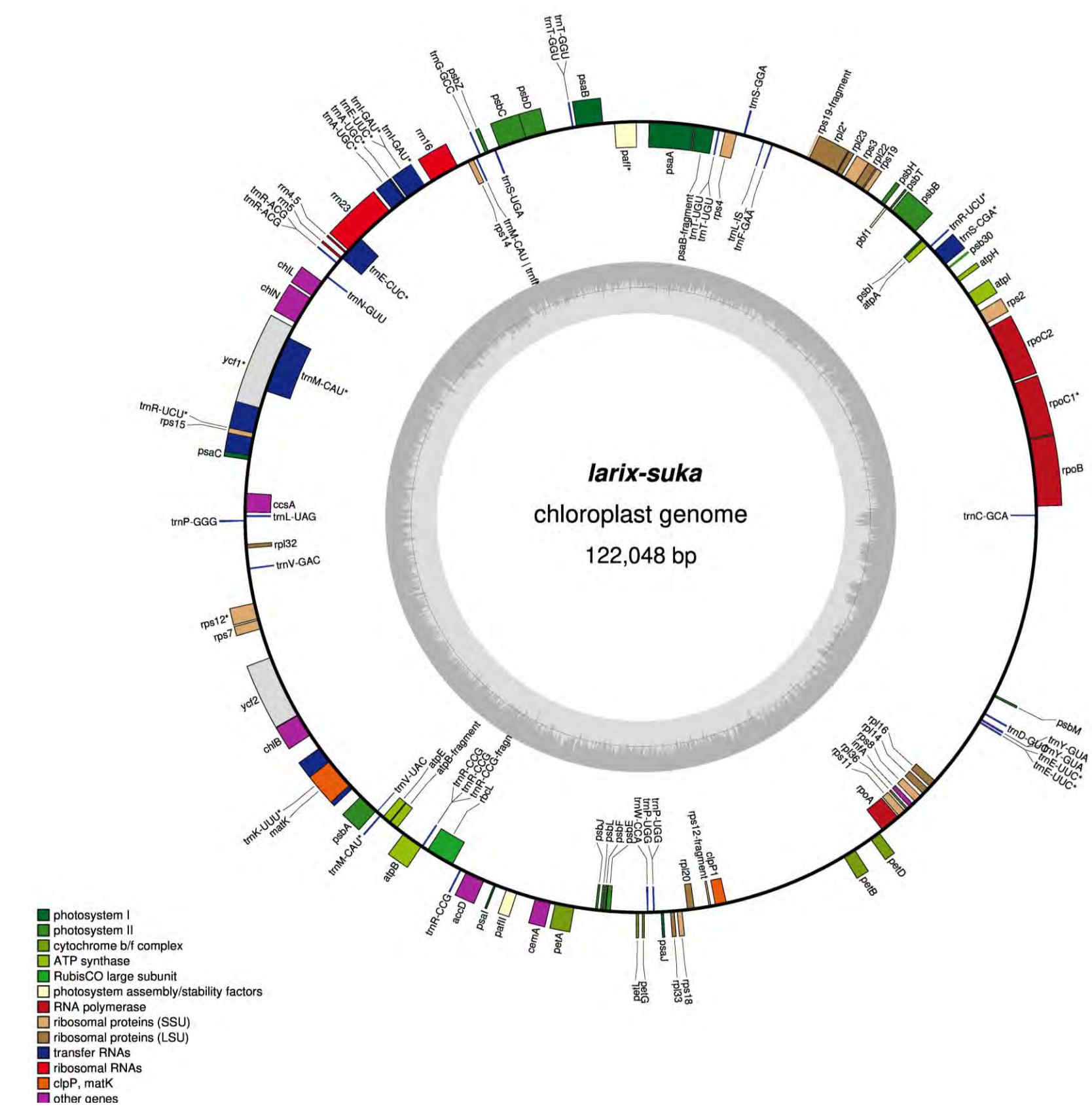
Analyse Statistique

Étude phylogénétique

-Filtration des lectures
-Assemblage des Séquences
-Annotation des Séquences



RESULTATS PRELIMINAIRES



Le génome chloroplastique complet de différents espèces a été généré avec succès à l'aide de l'approche de séquençage de nouvelle génération

CONTRIBUTION

